Marzo 27 de 2021

Distribución geográfica de los linajes de SARS-CoV-2 circulantes en Colombia

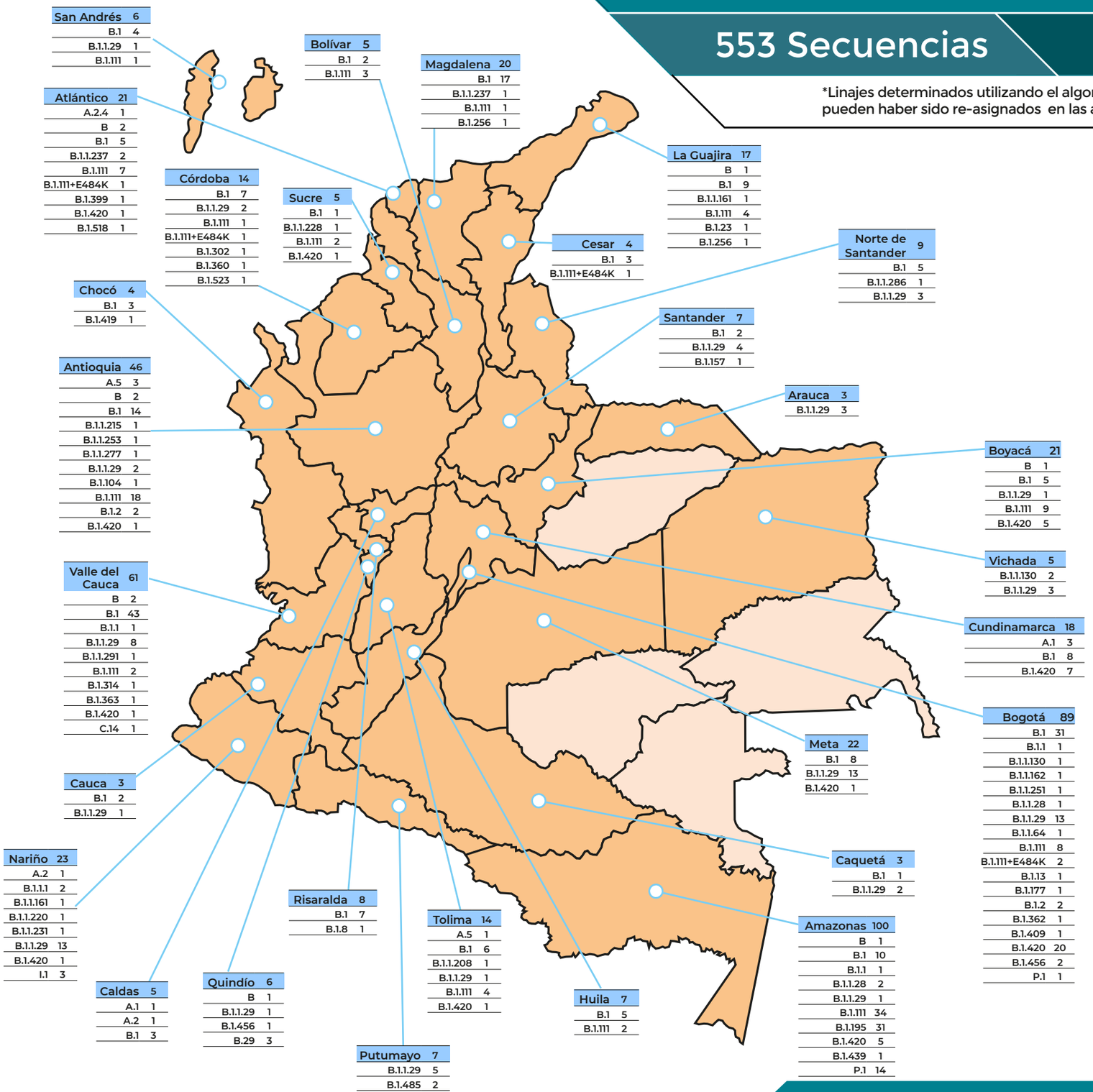
Instituto Nacional de Salud

Fuente: Unidad de Secuenciación y Genómica INS.
Datos genómicos disponibles en www.gisaid.org

553 Secuencias

54 Linajes*

*Linajes determinados utilizando el algoritmo Pangolin, algunos linajes pueden haber sido re-asignados en las actualizaciones del aplicativo



San Andrés	6
B.1	4
B.1.1.29	1
B.1.111	1

Bolívar	5
B.1	2
B.1.111	3

Magdalena	20
B.1	17
B.1.1.237	1
B.1.111	1
B.1.256	1

Atlántico	21
A.2.4	1
B	2
B.1	5
B.1.1.237	2
B.1.111	7
B.1.111+E484K	1
B.1.399	1
B.1.420	1
B.1.518	1

La Guajira	17
B	1
B.1	9
B.1.1.161	1
B.1.111	4
B.1.23	1
B.1.256	1

Córdoba	14
B.1	7
B.1.1.29	2
B.1.111	1
B.1.111+E484K	1
B.1.302	1
B.1.360	1
B.1.523	1

Sucre	5
B.1	1
B.1.1.228	1
B.1.111	2
B.1.420	1

Cesar	4
B.1	3
B.1.111+E484K	1

Norte de Santander	9
B.1	5
B.1.1.286	1
B.1.1.29	3

Chocó	4
B.1	3
B.1.419	1

Santander	7
B.1	2
B.1.1.29	4
B.1.157	1

Antioquia	46
A.5	3
B	2
B.1	14
B.1.1.215	1
B.1.1.253	1
B.1.1.277	1
B.1.1.29	2
B.1.104	1
B.1.111	18
B.1.2	2
B.1.420	1

Arauca	3
B.1.1.29	3

Boyacá	21
B	1
B.1	5
B.1.1.29	1
B.1.111	9
B.1.420	5

Vichada	5
B.1.1.130	2
B.1.1.29	3

Valle del Cauca	61
B	2
B.1	43
B.1.1	1
B.1.1.29	8
B.1.1.291	1
B.1.111	2
B.1.314	1
B.1.363	1
B.1.420	1
C.14	1

Cundinamarca	18
A.1	3
B.1	8
B.1.420	7

Bogotá	89
B.1	31
B.1.1	1
B.1.1.130	1
B.1.1.162	1
B.1.1.251	1
B.1.1.28	1
B.1.1.29	13
B.1.1.64	1
B.1.111	8
B.1.111+E484K	2
B.1.13	1
B.1.177	1
B.1.2	2
B.1.362	1
B.1.409	1
B.1.420	20
B.1.456	2
P.1	1

Meta	22
B.1	8
B.1.1.29	13
B.1.420	1

Cauca	3
B.1	2
B.1.1.29	1

Caquetá	3
B.1	1
B.1.1.29	2

Nariño	23
A.2	1
B.1.1.1	2
B.1.1.161	1
B.1.1.220	1
B.1.1.231	1
B.1.1.29	13
B.1.420	1
I.1	3

Risaralda	8
B.1	7
B.1.8	1

Tolima	14
A.5	1
B.1	6
B.1.1.208	1
B.1.1.29	1
B.1.111	4
B.1.420	1

Amazonas	100
B	1
B.1	10
B.1.1	1
B.1.1.28	2
B.1.1.29	1
B.1.111	34
B.1.195	31
B.1.420	5
B.1.439	1
P.1	14

Caldas	5
A.1	1
A.2	1
B.1	3

Quindío	6
B	1
B.1.1.29	1
B.1.456	1
B.29	3

Huila	7
B.1	5
B.1.111	2

Putumayo	7
B.1.1.29	5
B.1.485	2

Linajes	Genomas
A.1	4
A.2	2
A.2.4	1
A.5	4
B	10
B.1	201
B.1.1	3
B.1.1.1	2
B.1.1.130	3
B.1.1.161	2
B.1.1.162	1
B.1.1.208	1
B.1.1.215	1
B.1.1.220	1
B.1.1.228	1
B.1.1.231	1
B.1.1.237	3
B.1.1.251	1
B.1.1.253	1
B.1.1.277	1
B.1.1.28	3
B.1.1.286	1
B.1.1.29	77
B.1.1.291	1
B.1.1.64	1
B.1.104	1
B.1.111	96
*B.1.111+E484K	5
B.1.13	1
B.1.157	1
B.1.177	1
B.1.195	31
B.1.2	4
B.1.23	1
B.1.256	2
B.1.302	1
B.1.314	1
B.1.360	1
B.1.362	1
B.1.363	1
B.1.399	1
B.1.409	1
B.1.419	1
B.1.420	44
B.1.439	1
B.1.456	3
B.1.485	2
B.1.518	1
B.1.523	1
B.1.8	1
B.29	3
C.14	1
I.1	3
P.1	15

*Pendiente de asignación por Pangolin

Laiton-Donato, K., Villabona-Arenas, C. J., Usme-Ciro, J. A., Franco-Muñoz, C., Álvarez-Díaz, D. A., Villabona-Arenas, L. S., ... & Mercado-Reyes, M. (2020). Genomic Epidemiology of Severe Acute Respiratory Syndrome Coronavirus 2, Colombia. Emerging infectious diseases, 26(12), 2854.